```
                                 SP
                                 M  T  A  M  P  V  S  T  H  P  R  Q  R        13
agtttccctttcagtctggtaacATGACAGCCATGCCAGTCTCAACGCATCCCCGTCAGA                 60

 R  K  S  Y  T  F  F  W  C  S  L  G  I  Y  A  E  A  L  L  F                  33
GAAGGAAGAGCTACACTTTCTTCTGGTGCTCCCTGGGCATCTATGCAGAGGCCCTTCTGT                 120
                                 SCR1
 L  L  S  G  L  S  D  A  C  E  L  P  P  P  F  E  A  M  E  L                  53
TTCTACTGTCTGGTTTATCTGATGCCTGTGAACTACCACCACCATTTGAAGCTATGGAAC                 180

 K  G  T  P  K  L  Y  Y  A  V  G  E  R  I  E  F  K  C  K  K                  73
TCAAGGGTACACCTAAACTCTATTATGCAGTTGGAGAGAGAATAGAATTTAAGTGTAAAA                 240

 G  Y  L  H  L  S  P  N  L  M  I  A  T  C  G  P  N  H  T  W                  93
AAGGATACCTACATCTGTCTCCAAACCTGATGATTGCTACCTGTGGGCCAAATCATACAT                 300
                                 SCR2
 V  H  I  S  D  V  G  C  I  K  V  Q  C  T  M  L  Q  N  P  S                  113
GGGTCCATATTTCAGATGTTGGTTGTATTAAAGTTCAATGTACTATGTTACAGAACCCTT                 360

 F  G  K  V  H  Y  I  D  G  R  F  S  W  G  A  R  A  K  F  T                  133
CATTTGGCAAAGTACACTACATAGATGGCAGATTTTCATGGGGTGCTCGAGCTAAATTTA                 420

 C  M  E  G  Y  Y  L  A  G  M  S  V  L  H  C  V  L  K  G  D                  153
CTTGTATGGAAGGTTATTACTTAGCTGGTATGTCAGTTCTACACTGTGTGCTTAAAGGTG                 480
                                 SCR3
 E  A  Y  W  N  G  H  P  P  S  C  E  K  V  Y  C  L  P  P  P                  173
ATGAGGCATACTGGAATGGCCATCCCCCAAGTTGTGAAAAGGTTTATTGTTTACCACCTC                 540

 K  I  K  N  G  T  H  T  F  T  D  I  N  V  F  K  Y  H  E  A                  193
CAAAAATAAAAATGGAACACACACCTTTACTGATATAAATGTATTCAAATACCATGAAG                  600

 V  I  Y  S  C  D  P  N  P  G  P  D  K  F  S  L  V  G  T  S                  213
CAGTAATTTACAGTTGTGATCCTAACCCAGGGCCAGATAAGTTTTCCCTTGTTGGGACAA                 660
                                                                SCR4
 V  L  F  C  A  G  Q  N  T  W  S  N  S  P  P  E  C  K  V  V                  233
GCGTGCTATTCTGTGCTGGCCAGAACACCTGGAGTAACAGCCCTCCAGAGTGTAAAGTGG                 720

 K  C  P  F  P  V  L  Q  N  G  R  Q  I  S  R  A  G  E  K  F                  253
TAAAATGTCCATTTCCAGTGCTACAAAATGGAAGACAGATATCAAGAGCTGGAGAAAAGT                 780

 S  Y  Q  A  I  V  M  F  E  C  V  Q  G  F  Y  M  E  G  S  S                  273
TTTCCTATCAAGCAATAGTGATGTTTGAGTGTGTGCAGGGATTTTACATGGAAGGCAGTA                 840
                                                                UK
 M  V  V  C  S  A  N  N  S  W  E  P  S  I  P  K  C  L  K  G                  293
GCATGGTGGTCTGTAGTGCTAATAACTCTTGGGAGCCATCTATCCCAAAATGTCTTAAAG                 900
                                                   TH
 Y  P  N  P  R  G  G  I  F  G  Q  E  L  D  A  W  I  V  A  L                  313
GATATCCTAATCCCCGTGGAGGAATATTTGGCCAAGAATTAGATGCATGGATTGTTGCTT                 960

 I  V  I  T  S  I  V  G  V  F  V  I  C  L  I  M  L  R                      331
TGATTGTTATTACTTCAATTGTTGGAGTTTTTGTAATTTGTCTCATCATGCTCAGG                    1016

CYT-A
Y  F  E  H  R  K  K  G  N  V  S  A  A  R  .                                 345
TATTTTGAGCACAGGAAGAAAGGAAATGTATCTGCAGCAAGATGAatatcccatgtgtgg               1076
aagtcattactgttccattttttgaaaactggatcttcaagtctggcaaaagcaaaattgt              1136
atatctgcaggagcttcgtttgtggtaatgtgtgtgtgtttctagtgtaaatgaaatctg               1196
tgtttaaaaaca                                                                1208

CYT-B
Y  F  E  H  R  K  K  G  C  Q  S  Q  A  Q  L  F  Y  L  C  F                  351
TATTTTGAGCACAGGAAGAAAGGATGCCAGTCCCAAGCTCAATTATTTTACCTGTGCTTC               1076
.
TGAcccaccaactataagaactgtatctgcagcaagatgaatatcccatgtgtggaagtc               1136
attactgttccattttttgaaaactggatcttcaagtctggcaaaagcaaaattgtatatc              1196
tgcaggagcttcgtttgtggtaatgtgtgtgtgtttctagtgtaaatgaaatctgtgttt               1256
aaaaaca                                                                     1263
```