

CTX-M universal primer

3' to 5'direction (reverse)

5' to 3'direction (forward)

CTX-M-U1.SE

5'-ATGTGCAGTACCAGTAARGTKATGGC-3'

CTX-M-U2.AS

3'-GGCGACYAAGACCASTGRATRAARTGGGT-5'

5'-CCGCTGRTTCTGGTSACYTAYTTTACCCA-3'

A

		nucleotide				nucleotide	
		Position				position	
<i>E. coli</i>	CTX-M-1	X92506	273	5'-ATGTGCAGTACCAGTAAAGT	GATGGC-3'	5'-CCGCTGATTCTGGTCACTTACTTCACCCA-3'	865
<i>S. typhimurium</i>	CTX-M-2	X92507	216	-----T-----G-----		-----G-----G-C-----T-----	808
<i>C. freundii</i>	CTX-M-3	Y10278	211	-----T-----G-----		-----G-----G-C-----T-----	803
<i>C. amalonaticus</i>	CTX-M-8	AF189721	484	-----T-----G-----		-----T-----G-----G-C-----T-----	1076
<i>E. coli</i>	CTX-M-9	AF174129	6546	-----T-----T-----		-----G-----G-C-----T-----T-----	7138
<i>E. coli</i>	CTX-M-15	AY044436	1646	-----T-----G-----		-----G-----G-C-----T-----	2238
<i>E. coli</i>	CTX-M-25	AF518567	2531	-----T-----G-----		-----CG-----G-----T-----	3123
<i>E. coli</i>	CTX-M-28	AJ549244	211	-----T-----G-----		-----CG-----G-----T-----	803

B

<i>K. oxytoca</i>	CTX-M-3	AB185840	211	-----T-----G-----		-----G-----G-C-----T-----	803
	CTX-M-35	AB176534	211	-----T-----G-----		-----G-----G-C-----T-----	803

C

<i>K. oxytoca</i>	K1	AY077482	372	-----G-----G-----		-----G-G-----G-C-----T-----T-----	964
		AY077483	390	-----G-----G-----		-----G-G-----G-C-----T-----T-----	982
		AY077484	389	-----G-----G-----		-----G-G-----G-C-----T-----T-----	981
		AY077486	391	-----G-----G-----		-----G-G-----G-C-----T-----T-----	983
		AY077485	391	-----G-AT-A-----C-----T-----		-----G-AT-A-----C-----T-----T-----	983
		AY077487	384	-----G-AT-A-----C-----T-----		-----G-AT-A-----C-----T-----T-----	976
		AY077488	366	-----G-AT-A-----C-----T-----		-----G-AT-A-----C-----T-----T-----	958
		AY077489	356	-----G-AT-A-----C-----T-----		-----G-AT-A-----C-----T-----T-----	948
		AF473577	391	-----AT-A-----C-----T-----		-----AT-A-----C-----T-----T-----	983
		AY055205	389	-----G-AT-A-----C-----T-----		-----G-AT-A-----C-----T-----T-----	981
<i>K. oxytoca</i>	Oxy-1	Y17715	357	-----G-----G-----		-----G-G-C-----G-C-----T-----T-----	949
		Y17714	351	-----G-----G-----		-----G-AT-A-----C-----T-----T-----	943
		AF491278	385	-----T-G-----G-----		-----G-AT-A-----C-----T-----T-----	977
		AY077481	393	-----G-----G-----		-----G-G-A-----G-C-----T-----T-----	985
		AJ871872	208	-----G-----G-----		-----G-G-----G-C-----T-----T-----	800
		AJ871879	211	-----G-----G-----		-----G-GT-A-----G-C-----T-----T-----	803
<i>C. sedlakii</i>	Sed-1	AF321608	223	-----G-----G-C-----A-----		-----G-G-----A-C-----T-----A-----	815
<i>C. amalonaticus</i>	CdiA	X62610	385	-----T-----GAC-----T-----		-----C-C-----C-----T-----A-----	977
<i>C. koseri</i>	CKO-1	AF477396	264	-C-C-A-TGA--G-G-C-C----		--TT-C-CG--T-TC-TA-T-A--	818
<i>P. vulgaris</i>	K1	D29982	428	--GCA-T--A--G--T-----		--AT-A--T-A--GT--T--A--	1020
<i>P. vulgaris</i>	CumA	X80128	1475	--GCA-T--A--G--T-----		--AT-A--T-A--GTCT--T--A--	2067
<i>P. penneri</i>	HugA	AF324468	1431	--GCA-T--A--G--T-----		--AT-A--T-A--GT--T--T--A--	2023