

Additional file 1

Oligonucleotide primers used for amplification and sequence analysis of the ATR gene

Exon	Forward primer (5'-3')	Reverse primer (5'-3')	Product length (bp)	Annealing Temp (C)
1	ACGAACGTCGCTCGCTCGGT*	ATCAACGGGCACTCTGAGGGAGA	519	58
2	GCTGATTGGATCTCTTTAGTACTTAG	AATACTGATTAACAAATAACTTGCTTGA*	458	52
3	CCACTCCCAGCTAATTTTAAGA*	TTGATTATTTCTAAGTACCTAGTATAACAATACT	580	52
4	GTATGCCTGTGTTCTAAACTATTATGT*	AAAATCATTATGTTCCAAATATAAATACT*	1174	50
5	ACTAATTTAGATGTTTATTTTGCTTTATGA*	ATGTTCTTTGTGTATTTAAATCAAAGCA	433	52
6	ATTCTAAATATGTTTCATGTTTAAACCA	ACCGTACCTAGCATTTGACTCA*	427	52
7-8	TCCTAAGGGTGATTTAAGCTGACA* ACATATTACTTGATTTGCATGTTTACT* GTTACAGACCTCAGACCATCGT*	CAAACCACACACATTCTTGTA	1050	52
9-10	GGTATTAATGTATTTTAAAGTGTACTTGA* TCTGGCTATGTATGCAGGGTGT*	CCAGTTATCCATTTATAACTAATCA*	999	52
11-12-13	ATACATACTTAAATATGAAACATTGACA* GTGTGTGTGTGTGTTTGTGTATTCA*	TTAAAAAGTACTGCTGTTGCCTA ACACAAATGCTGCCAAGTATACCT* AAAGTACTGCTGTTGCCTATAGTCCA*	978	52
14-15	GCAGATTATGACATAGTCTACCTCA*	GATAGGCTATAATTTACTCACCTCT*	1094	58
16	CCATGGGAGACCTACCAGGA TCCTGTCATCTGGGCTAGAGCT*	CTATAAGAAAATAAACGTGATCTCGTGT	586	52
17	TGGAGAAACTTAATTAACCAAGTGT	CTAAAGCTACATCATCCTTACGCT*	510	52
18	GACAAAACAACTGGCCAAC*	AGTTGGGAAATAGGTATGTAGGTTT	525	52
19	TGTTTGTATATATCATGTGTCTTCAACTA*	CATTTCAATATGTAATTACATGCCAA	399	52
20	GGTTTATTGTAGCACTATTATAGAGTGA	ATGGATTTCATGGTAGCATTATCT*	480	52
21	CCATAGACCTGGTTCAAAGCTA*	GAAGACTTACATAAACTGCTGCTGTA	762	52
22	TCATTGCTTCTTTGCCGTACA	AATATAACACCCTAGATGGGGTTCA*	805	52
23	GATTATATTGTAGTCTTGATAACAAACT	GGCAAACCTCGTTGTCTGA AGTCACAAAGCTGAGGCAGT*	526	56
24	TACTGCATGCATAGTGGCCA	TTGGGCCTACTAAAGGCTTTCT CTCGAATCCTGACCTCGTGA*	1002	52
25	GCATAGTTACCCATAATGAGGAGT*	ACACACATTAAGACCATAGTAATTTTCT	678	52
26	TGTTAACTATTTTCAGCTCTGGAATA*	GTCTACATTTCTACTAATAGGTAGCCT	529	52
27	ACCTTTTATGTGATGCCTCATCT GCTGGTCTTGACCTCAGGCA*	CAGTGAAAAGGCCACACTATTAC	1385	54
28	GGAGCAAGACTCTCTGAACAATTGT*	CCACATGGATGAGTTAAGTGCCT	557	52
29	CAGTTTTAGGATCCTGAGGTTCTT	GAGAGGGTTAAATATTTCCAGACA*	753	52
30	ACTTTAAATGTGTTAGGACATTGATG*	GAGCCTACCAATAGCCAGT	697	55
31	TAAATGGTGTATCAGAAGTAATTAGTGA*	AATATTTATGTCATATTTAAACCGCT	676	52
32	CTATAATCATGCCATAGCCCTCT	GACATTACAAGAGGACAAAACATAAGAT*	607	52
33	AATTTGGGATTCAGTCAAATCC CATGCCTGGCTAAAGCACCA*	CGTACAGTTCAGCGAGTCTGTA	1272	56
34	AGATTCTCTAAACTGGGTAGCTCGACT GGTTCTGTATTGGGAACAGAGGCT	GTTCTCTCAGTTGGCCTTTTAAGGA	881	56
35	ATGAATGAGATGAAGCAATGT*	GTATATTTATTTGTGATAATCCATATACT	511	52
36	GGAGTTTCTCCTAAGTTGCGAA	CCTAGAATATGCTAAGACATGTGATAACA*	498	54
37-38	CAGGAATGTAGAATAAGTGAGCT	CTTCATTTTCATATGGTAAATATATCCAA*	1231	52

		TCCCATGCCCAAGGTTAGGT*		
39	GGCAGATCCCTATAACTTTATAATTC*	TTTAGAAATATTAGAGGGTATTTGGAAG	563	52
40	TAAAATGGGATGATTAGGAAATACTTAG*	CTTAAATTA AAAACAAAGCATAGACTGG	970	52
41	TTGGCCCTAATTCATATATAACTCATC	ATATTCATTCTGTTTTTAAGAGTG*	351	52
42	TAATGTTTCAGTAATACCTATAAAGCAATAG	CCTCAAATCCTGTTGGGATG*	730	52
43-44	TGTGATTAATGGATATCACTCTTCC	CAAATTCAGTACTAGCTTTACAGTATCAC*	675	52
45	TGTAATACTGCTTATTCAGTACTAAACT	GTGACTGCTAATGCCTACGG*	710	52
46	AGTATACACTTAGAGATGGCACATAGAA*	CATAACTGTGAATTGTCTATGGTTAAAC	635	52
47	GTTGAATCAATCTTGCGAGCCTCC	GGCACAACGCCTTGCCCA	764	58
	TCTTACAAAAGGGGTATTGGTCAGT*			

* Used as sequencing primers