

Supplementary Table 7. Validation analysis by qRT-PCR of those miRNA significantly deregulated according with RNA-Seq analysis in the exploratory and extended cohort of T-LBL samples.

Sample Cohort	Sample	miRNA_id	gene symbol target	Housekeeping	2 ^Δ -Dct 2_1_control	2 ^Δ -Dct 2_2_tumor	P value	Norm_1	Norm_2	log2FC
Exploratory cohort	554	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,080	0,000	1,000	0,001	-10,970
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	53,490	0,017	1,000	0,239	-2,064
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	1,920	0,001	1,000	0,006	-7,356
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	1,410	0,853	1,000	1,317	0,397
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	0,180	0,022	1,000	0,129	-2,954
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	17,240	0,021	1,000	4,982	2,317	
	238	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,750	0,000	1,000	0,005	-6,643
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,370	0,016	1,000	0,002	-9,287
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	0,790	0,011	1,000	0,003	-8,643
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	1,180	0,613	1,000	1,103	0,028
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	2,450	0,181	1,000	1,763	0,817
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	0,820	0,001	1,000	0,237	-2,077	
	408	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,600	0,000	1,000	0,004	-7,930
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,960	0,016	1,000	0,004	-7,895
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	1,850	0,011	1,000	0,006	-7,405
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	0,430	0,066	1,000	0,402	-1,315
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	1,455	0,455	1,000	0,921	-0,119
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	1,250	0,003	1,000	0,361	-1,469	
	192	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,760	0,000	1,000	0,005	-7,615
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,610	0,016	1,000	0,003	-8,533
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	0,100	0,011	1,000	0,000	-11,700
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	0,720	0,011	1,000	0,518	-0,949
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	0,440	0,012	1,000	0,316	-1,662
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	1,110	0,022	1,000	0,321	-1,639	
	460	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,000	0,000	1,000	0,000	-22,250
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	3,110	0,017	1,000	0,014	-6,158
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	0,880	0,011	1,000	0,003	-8,381
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	0,390	0,019	1,000	0,364	-1,458
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	0,730	0,036	1,000	0,525	-0,929
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	0,450	0,024	1,000	0,130	-2,943	
	346	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,610	0,000	1,000	0,004	-7,930
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,690	0,016	1,000	0,003	-8,333
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	6,920	0,011	1,000	0,022	-5,506
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	1,230	0,713	1,000	1,149	0,200
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	1,430	0,681	1,000	1,029	0,041
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	2,010	0,044	1,000	0,581	-0,783	
	840	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,130	0,000	1,000	0,001	-10,120
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,070	0,016	1,000	0,000	-11,700
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	0,330	0,011	1,000	0,001	-9,828
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	2,010	0,366	1,000	1,878	0,909
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	1,230	0,541	1,000	0,884	-0,179
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	0,250	0,005	1,000	0,072	-3,795	
	521	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	1,044	0,000	1,000	0,007	-7,158
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	1,280	0,016	1,000	0,006	-7,381
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	0,529	0,011	1,000	0,002	-8,965
hsa-miR-221-3p		CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	1,040	0,593	1,000	0,972	-0,041	
hsa-miR-222-3p		CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	0,990	0,098	1,000	0,712	-0,490	
hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	0,405	0,003	1,000	0,118	-3,083		
Extended cohort	829	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,820	0,000	1,000	0,006	-7,506
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,760	0,016	1,000	0,003	-8,200
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	0,350	0,011	1,000	0,001	-9,828
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	3,430	0,006	1,000	3,205	1,680
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	2,580	0,177	1,000	1,856	0,892
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	0,600	0,003	1,000	0,173	-2,531	
	188	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,990	0,000	1,000	0,007	-7,221
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,640	0,016	1,000	0,003	-8,480
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	1,160	0,011	1,000	0,004	-8,078
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	1,250	0,803	1,000	1,168	0,224
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	0,800	2,811	1,000	0,575	-0,798
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	0,530	0,022	1,000	0,153	-2,708	
	080	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,370	0,000	1,000	0,003	-8,643
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,520	0,016	1,000	0,002	-8764,000
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	1,030	0,011	1,000	0,003	-8,243
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	0,660	0,124	1,000	0,616	-0,698
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	3,790	0,055	1,000	2,726	1,446
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	0,430	0,001	1,000	0,124	-3011,000	
	135	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,100	0,000	1,000	0,001	-10,480
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,080	0,016	1,000	0,000	-11,287
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	1,010	0,011	1,000	0,003	-8,287
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	0,170	0,046	1,000	0,158	-2,662
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	0,300	0,016	1,000	0,215	-2,217
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	1,620	0,011	1,000	0,468	-1,095	
	104	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,290	0,000	1,000	0,002	-9,039
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,470	0,016	1,000	0,002	-8,895
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	0,720	0,011	1,000	0,002	-8,965
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	0,630	0,122	1,000	0,588	-0,766
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	0,690	0,073	1,000	0,496	-1,011
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	1,540	0,079	1,000	0,445	-1,168	
	038	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	92,570	0,024	1,000	0,628	-0,671
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	67,330	0,028	1,000	0,301	-1,732
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	87,720	0,025	1,000	0,281	-1,831
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	0,460	0,078	1,000	0,429	-1,221
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	1,250	0,437	1,000	0,899	-0,153
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	6,310	0,030	1,000	1,823	0,866	
	101	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,060	0,000	1,000	0,000	-11,287
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,050	0,016	1,000	0,000	-12,287
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	0,003	0,011	1,000	0,000	-16,668
		hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	0,740	0,160	1,000	0,691	-0,533
		hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	1,420	0,949	1,000	1,021	0,029
	hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	0,230	0,006	1,000	0,066	-3921,000	
	209	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,510	0,000	1,000	0,003	-8,200
		hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	0,270	0,016	1,000	0,001	-9,702
		hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	0,270	0,011	1,000	0,001	-10,117
hsa-miR-221-3p		CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	4,080	0,016	1,000	3,813	1,931	
hsa-miR-222-3p		CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	3,540	0,048	1,000	2,546	1348,000	
hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	1,980	0,015	1,000	0,572	-0,806		
639	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,080	0,000	1,000	0,001	-10,850	
	hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	73,530	0,017	1,000	0,328	-1,608	
	hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48	311,740	0,500	0,001	1,000	0,002	-8,965	
	hsa-miR-221-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,070	2,910	0,024	1,000	2,719	1,443	
	hsa-miR-222-3p	CDKN1C	miR-SNORD48	1,390	0,750	0,026	1,000	0,539	-0,891	
hsa-miR-375	TP53	miR-SNORD48	3,460	3,090	0,036	1,000	0,630	-0,163		
001	hsa-miR-200a-3p	TP53	miR-SNORD48	147,380	0,080	0,000	1,000	0,001	-10,850	
	hsa-miR-203a	E2F1	miR-SNORD48	223,320	47,570	0,023	1,000	0,213	-2,231	
	hsa-miR-205-5p	E2F1	miR-SNORD48							