

1	---MESTLGAGIVIAEALQNQLAWLENVWLWITFLGDPKILFLFYFPAAYYASRRV	56	G6PC3_HUMAN
1	MEEGMNVLHDFGIQSTHYLQVNYQDSQDWFILVSVIADLRNAFYVLFPIWFLH	60	G6PC_HUMAN
	*: ** :. ** : : : : : : : * : * . ** :: .. ***		
57	VLWISLITEWLNLIKWFVLFGRPFVWVHESGYYSQAPA-QVHQFPSSCETGPG	115	G6PC3_HUMAN
61	LLWVAVIGDWLNLVFKWILFGQRPYVWVLDTDYYSNTSVPLIKQFPVTCET	120	G6PC_HUMAN
	:***:::* :*****:***:***:***:*** : : ***: . :*** :*****.		
116	MITGAALWPIMTALSS---QVATRARSRWVRVMPSLAYCTFLAVGLSRIFILA	171	G6PC3_HUMAN
121	HFPHQ MGTAGVYYVMVTSTLSIFQGKIKPTYRFRCLNVILWLGFVAVQLNVCL	180	G6PC_HUMAN
	* * . . . : : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : *		
172	VLAGLITGAVLGWLMTPRVPM-EREFSFYGLTALALMLGTSLIYWTLFTLGL	230	G6PC3_HUMAN
181	DLSWSISL VVAGVLSGIAVAETFSHIHSIYNASLKKYFLITFFLFSFAIGFY	240	G6PC_HUMAN
	*:***:::* .. : : : . * * : : * : : * * **:* * : : .		
231	AFKWCERPEWIHVDSRPFASLSRDSGAALGLGIALHSPCYAQVRRRAQLGNG	288	G6PC3_HUMAN
241	Q--KIACLV AQRWCEQPEVWHIDTTPFASLLKNLGTFLGLLALNSSMYRES	300	G6PC_HUMAN
	* :***:***:***:***: ***** : : * : :***:***.* * : : : * .		
289	LAMGLLGPLDWLGHPPQIS-LFYIFNFLKYTLWPCLVLALVPWAVHMFSAQE	346	G6PC3_HUMAN
301	APPVHSS ASLVLLHVFDSLKPPSQVELVFYVLSFCKSAVVPLASVSVIPYCLA	357	G6PC_HUMAN
	: : * * : * * * * : . :***: . * * : : * : : : * : : . . *		