

1	MESTLGAGIVIAEALQNQLAWLENVLWITFLGDPKILFLFYFPAAYYASRRVGI AVLWI	60	G6PC3_HUMAN
1	MESTLSAGIIMA EALQNRLPGL ENMWLVWTF LGDPKNLFQFCFPAAYYASRRLGISVLWI	60	G6PC3_MOUSE
1	MESLYRQGVWMAEALQQNSR SLEDLWLVASHMGDPKAAVLLVFPVVFYIHRRTGIAVLWV	60	G6PC3_DANRE
1	MDVLHSSGVVLAAYLQEKCLDFSQFWLWVNHLGDP AHIYVIYFPLAYCICNRLGVAILWT	60	F6RB07_XENTR
	*: * : * ** : . : . : . ** . : . * * : : : *		
		44	
61	SLITEWLNLI FKWFLFGDRPFWWVHESGYYSQAPAQVHQFPSSCETGPGSPSGHCMITGA	120	G6PC3_HUMAN
61	TFIAEWLNLVFKWFLFGDRPFWWVHESGYSTQTPIQIHQFPSSCETGPGSPSGHCMITGA	120	G6PC3_MOUSE
61	AALSEWLNLVFKWILFGERPYWWIGQSGLFSEKPPVQQFQSTCESGPGSPSGHAMV TSA	120	G6PC3_DANRE
61	GLLSEWLNLI FKWFLFGERPFWWIYESGMHSD--LHLTQFPLTCETGPGNPSGHCMITGA	118	F6RB07_XENTR
	: : * * * * * : * * * * * : * * : : : * * : * * * * * . * * * * * : * * . *		
		116 118	
121	ALWPIMTALSSQVATRARSRWVRVMP SLAYCTFLLAVGLSRIFILAHFPHQVLAGLITGA	180	G6PC3_HUMAN
121	ALWPVMTAISSQVASRSRSPWVRVIPGLAYCTFLLAVGLSRVFLLAHFPHQVLGGLIVGA	180	G6PC3_MOUSE
121	VWVVIISSLASFQAYTGSKILSAVLYLLYAVFLGCVGLSRIFILAHFPHQVVAGLLTGV	180	G6PC3_DANRE
119	ALWPVMMFFTNL---RPQRTLLSLVPIILYIMLMVGVAISRVLILAHFPHQVVAGLIAGM	175	F6RB07_XENTR
	. * : : : . : : : * : : * . : * * * * * : * * * * * : * * * * *		
		154 161	
181	VLGWLMTPRVPMERELSFYGLTALALMLGTSLIYWTLFTLGLDLSWSISLAFKWCERPEW	240	G6PC3_HUMAN
181	ALGWLMSPRVPMERELSFYGLTALALMLGASLMYWTLFTLGLDLSWSINLASKWCERPEW	240	G6PC3_MOUSE
181	LLGVFLKRSVPERRPLLFRRFSMALLGAALIFHAVLEKTGIDLSWSISLAKRWCSRSEW	240	G6PC3_DANRE
176	YLGHSIPGTVSRGCTLLFFTLTSVLLLFGAFLIYFGMGIFGVDLSWSINRATKWCAKPEW	235	F6RB07_XENTR
	** : * * * : : * : : : : * : * * * * * . * * * : *		
		185 208	
241	IHVDSRPFASLSRDSGAALGLGIALHSPCYAQVRR AQLGNGQKIACLVLAMGLLGPLDWL	300	G6PC3_HUMAN
241	VHMDSRPFASLSRDSGSALGLGIALHTPCY AQIRRAHLGNGQKIACFVLAMGLLVFLEWL	300	G6PC3_MOUSE
241	VRMDTAPFSSLNRDAGVLLGLGLAQYW---KPGGWTLPRAPRTLCLALSSLALHYISRF	296	G6PC3_DANRE
236	VRLETRPFSSVTRSAASALGLGFAFRCP LYSRLCKGNRDWRKRTITLLLSLLLGLLHHL	295	F6RB07_XENTR
	: : : : * * * : * . : . * * * * * : : : : * : * * : * : :		
		253 260	
301	GHPP-QISLFYIFNFLKYTLWPCLVLALVPWAVHMFSAQEAPP I HSS	346	G6PC3_HUMAN
301	GYPP-QISLFYIFNFLKYTLWPCLVLALVPWV VHTLSDQEAPP I RSS	346	G6PC3_MOUSE
297	PLPTVPPLLFYSLFFLKYSIVPQVVMVLVPGFVHLLTAKPKRE----	339	G6PC3_DANRE
296	PLQTASPLLFYFLNFI RHVLGPFVAVVILAPFITHSLSMRATDKKE--	340	F6RB07_XENTR
	** * : * : : : * * : * . * . * : : :		